

Table S2. List of downregulated genes.

Gene symbol	Entrez gene ID	Factor (RMA) ¹	Factor (Iter-PLIER) ²
<i>abcg2</i>	9429	0.44	0.38
<i>acat2</i>	39	0.47	0.39
<i>ace</i>	1636	0.46	0.31
<i>adamts1</i>	9510	0.31	0.21
<i>adamts18</i>	170692	0.43	0.40
<i>adamts9</i>	56999	0.35	0.31
<i>anln</i>	54443	0.32	0.30
<i>apobec3b</i>	9582	0.34	0.35
<i>asf1b</i>	55723	0.21	0.14
<i>aspm</i>	259266	0.35	0.30
<i>aurka</i>	6790	0.41	0.30
<i>aurkb</i>	9212	0.50	0.32
<i>bmp4</i>	168667	0.40	0.14
<i>brca1</i>	672	0.41	0.29
<i>brip1</i>	83990	0.37	0.30
<i>bub1</i>	699	0.36	0.35
<i>bub1b</i>	701	0.29	0.26
<i>c12orf48</i>	55010	0.37	0.29
<i>c12orf5</i>	57103	0.36	0.35
<i>c14orf145</i>	145508	0.49	0.46
<i>c7</i>	730	0.45	0.41
<i>casc5</i>	57082	0.31	0.28
<i>ccna2</i>	890	0.38	0.36
<i>ccnb1</i>	891	0.37	0.33
<i>ccnb2</i>	9133	0.34	0.31
<i>ccnd1</i>	595	0.45	0.40
<i>ccne2</i>	9134	0.33	0.30
<i>cdc2</i>	983	0.38	0.36
<i>cdc20</i>	991	0.28	0.27
<i>cdc45l</i>	8318	0.32	0.17
<i>cdc6</i>	990	0.18	0.13
<i>cdca2</i>	157313	0.37	0.25
<i>cdca8</i>	55143	0.40	0.37
<i>cdh11</i>	1009	0.39	0.37
<i>cdkn3</i>	1033	0.46	0.35
<i>cenpe</i>	1062	0.43	0.32
<i>cenpf</i>	1063	0.36	0.33
<i>cenpi</i>	2491	0.33	0.27
<i>cenpk</i>	64105	0.30	0.29
<i>cep55</i>	55165	0.30	0.24
<i>ckap2</i>	26586	0.40	0.39
<i>ckap2l</i>	150468	0.36	0.31
<i>cks2</i>	1164	0.36	0.36
<i>clspn</i>	63967	0.40	0.14
<i>cmah</i>	8418	0.42	0.34
<i>crot</i>	54677	0.45	0.44
<i>cyp1a1</i>	1543	0.47	0.40

<i>depdc1</i>	55635	0.31	0.27
<i>dchr24</i>	1718	0.22	0.22
<i>dlgap5</i>	9787	0.31	0.27
<i>dpp4</i>	1803	0.39	0.34
<i>dtl</i>	51514	0.18	0.15
<i>eif4h</i>	7458	0.35	0.35
<i>elmod1</i>	55531	0.38	0.13
<i>elovl6</i>	79071	0.31	0.23
<i>entpd1</i>	953	0.41	0.39
<i>ephx1</i>	2052	0.44	0.36
<i>exo1</i>	9156	0.34	0.13
<i>fabp4</i>	2167	0.21	0.21
<i>fam111b</i>	374393	0.17	0.06
<i>fam40b</i>	57464	0.47	0.36
<i>fam83d</i>	81610	0.32	0.26
<i>fancd2</i>	2177	0.42	0.30
<i>fbxo5</i>	26271	0.45	0.40
<i>fen1</i>	2237	0.50	0.37
<i>flrt2</i>	23768	0.39	0.39
<i>foxm1</i>	2305	0.38	0.29
<i>fus</i>	2521	0.45	0.41
<i>gimap7</i>	168537	0.41	0.39
<i>gins1</i>	9837	0.25	0.21
<i>gins2</i>	51659	0.25	0.18
<i>gins3</i>	64785	0.43	0.37
<i>gja4</i>	2701	0.33	0.26
<i>glt8d2</i>	83468	0.35	0.31
<i>gmnn</i>	51053	0.50	0.35
<i>gsdmc</i>	56169	0.48	0.36
<i>gucy1a3</i>	2982	0.39	0.31
<i>hells</i>	3070	0.42	0.34
<i>hist1h1a</i>	3024	0.24	0.22
<i>hist1h1b</i>	3009	0.33	0.30
<i>hist1h2al</i>	8332	0.33	0.32
<i>hist1h2bf</i>	8343	0.48	0.48
<i>hist1h2bm</i>	8342	0.26	0.26
<i>hist1h3a</i>	8350	0.31	0.30
<i>hist1h3b</i>	8358	0.26	0.24
<i>hist1h3c</i>	8352	0.30	0.29
<i>hist1h3h</i>	8357	0.36	0.31
<i>hist1h3j</i>	8356	0.33	0.24
<i>hist2h2ab</i>	317772	0.48	0.47
<i>hjurp</i>	55355	0.49	0.40
<i>hmmr</i>	3161	0.35	0.26
<i>hmox1</i>	3162	0.40	0.31
<i>hnrrnlp</i>	4670	0.49	0.36
<i>hspa1a</i>	3303	0.27	0.27
<i>hspa4l</i>	22824	0.44	0.41
<i>hspf1</i>	10808	0.43	0.42
<i>ifit2</i>	3433	0.47	0.36
<i>il1r1</i>	3554	0.37	0.31
<i>KIAA0101</i>	9768	0.32	0.32

<i>KIAA0746</i>	23231	0.44	0.42
<i>KIAA1524</i>	57650	0.37	0.29
<i>kif11</i>	3832	0.28	0.29
<i>kif14</i>	9928	0.47	0.36
<i>kif15</i>	56992	0.40	0.30
<i>kif18a</i>	81930	0.41	0.33
<i>kif20a</i>	10112	0.30	0.28
<i>kif20b</i>	9585	0.42	0.34
<i>kif23</i>	9493	0.40	0.34
<i>kif2c</i>	11004	0.45	0.33
<i>kif4a</i>	24137	0.38	0.31
<i>lrcc17</i>	10234	0.35	0.33
<i>map2k6</i>	5608	0.49	0.34
<i>matn2</i>	4147	0.39	0.38
<i>mcm10</i>	55388	0.33	0.15
<i>mcm4</i>	4173	0.35	0.21
<i>mcm6</i>	4175	0.40	0.38
<i>melk</i>	9833	0.28	0.25
<i>mettl7a</i>	25840	0.24	0.18
<i>mki67</i>	4288	0.29	0.26
<i>mlf1ip</i>	79682	0.35	0.24
<i>mybl2</i>	4605	0.32	0.26
<i>nav3</i>	89795	0.45	0.41
<i>ncapd3</i>	23310	0.45	0.37
<i>ncapg</i>	64151	0.29	0.22
<i>ncaph</i>	23397	0.34	0.24
<i>ndc80</i>	10403	0.32	0.25
<i>neil3</i>	55247	0.46	0.34
<i>nlgn1</i>	22871	0.47	0.43
<i>nme1</i>	4830	0.48	0.45
<i>nqo1</i>	1728	0.22	0.21
<i>nuf2</i>	83540	0.38	0.32
<i>nusap1</i>	51203	0.30	0.30
<i>oas1</i>	4938	0.49	0.31
<i>pbk</i>	55872	0.21	0.20
<i>pcna</i>	5111	0.37	0.26
<i>pde1a</i>	5136	0.43	0.28
<i>pik3c2b</i>	5287	0.47	0.41
<i>pik3r3</i>	8503	0.15	0.14
<i>pla2g4a</i>	5321	0.50	0.48
<i>plk1</i>	5347	0.40	0.36
<i>plk4</i>	10733	0.48	0.42
<i>pole2</i>	5427	0.29	0.21
<i>pop1</i>	10940	0.44	0.30
<i>postn</i>	10631	0.28	0.17
<i>ppfibp2</i>	8495	0.50	0.35
<i>prc1</i>	9055	0.34	0.32
<i>prkcdbp</i>	112464	0.45	0.41
<i>prnd</i>	23627	0.41	0.31
<i>prr11</i>	55771	0.42	0.40
<i>psat1</i>	29968	0.33	0.33
<i>ptpn13</i>	5783	0.39	0.29

<i>pttg1</i>	9232	0.44	0.41
<i>racgap1</i>	29127	0.46	0.38
<i>rad51</i>	5888	0.42	0.34
<i>rad51ap1</i>	10635	0.30	0.22
<i>rfc3</i>	5983	0.37	0.33
<i>rgs4</i>	5999	0.29	0.30
<i>rgs5</i>	8490	0.44	0.40
<i>rrm2</i>	6241	0.28	0.26
<i>sell</i>	6402	0.32	0.15
<i>selp</i>	6403	0.48	0.45
<i>sema6a</i>	57556	0.43	0.39
<i>serpinb2</i>	5055	0.40	0.39
<i>sesn3</i>	143686	0.39	0.37
<i>sgk3</i>	23678	0.49	0.43
<i>sgol1</i>	151648	0.31	0.25
<i>sgol2</i>	151246	0.37	0.28
<i>shcbp1</i>	79801	0.25	0.18
<i>ska1</i>	220134	0.30	0.21
<i>ska3</i>	221150	0.37	0.36
<i>slc40a1</i>	30061	0.41	0.39
<i>slc43a2</i>	124935	0.47	0.32
<i>slc7a11</i>	23657	0.45	0.46
<i>scl7a8</i>	23428	0.39	0.22
<i>slc9a9</i>	285195	0.47	0.25
<i>sort1</i>	6272	0.45	0.40
<i>spag5</i>	10615	0.41	0.31
<i>spc25</i>	57405	0.26	0.20
<i>stat1</i>	6772	0.42	0.44
<i>steap1</i>	26872	0.35	0.31
<i>steap1b</i>	256227	0.45	0.46
<i>steap2</i>	261729	0.35	0.29
<i>stil</i>	6491	0.40	0.37
<i>tacc3</i>	10460	0.48	0.28
<i>tcf19</i>	6941	0.48	0.19
<i>tfec</i>	22797	0.49	0.38
<i>tfrc</i>	7037	0.32	0.34
<i>tk1</i>	7083	0.41	0.23
<i>tmem106c</i>	79022	0.49	0.47
<i>tmem154</i>	201799	0.37	0.13
<i>tmem19</i>	55266	0.49	0.42
<i>tnfsf18</i>	8995	0.41	0.40
<i>top2a</i>	7153	0.33	0.31
<i>tox</i>	9760	0.44	0.42
<i>tpx2</i>	22974	0.30	0.30
<i>trim2</i>	23321	0.48	0.37
<i>trip13</i>	9319	0.37	0.34
<i>tsen15</i>	116461	0.42	0.40
<i>tspan5</i>	10098	0.49	0.48
<i>ttk</i>	7272	0.43	0.33
<i>txnip</i>	10628	0.26	0.28
<i>tyms</i>	7298	0.34	0.33
<i>ube2t</i>	29089	0.37	0.32

<i>ucp2</i>	7351	0.42	0.33
<i>uhrf1</i>	29128	0.24	0.15
<i>wdhd1</i>	11169	0.43	0.38
<i>zwilch</i>	55055	0.48	0.44
<i>zwint</i>	11130	0.30	0.17

¹ Fold reduction as predicted by RMA.

² Fold reduction as predicted by Iter-PLIER.